

DE ACTUALIDAD

Editor provisional: José Mejía Lacayo

jtmejia@gmail.com

Celular: (504) 912-3314



Ciudades con 20 mil habitantes o más. El tamaño del círculo mide el número de habitantes según escala en la esquina superior izquierda: 20, 50, 100, y 800 mil hab. Datos del censo de 1995. Fuente: [Wikimedia Commons](#).

Somos una publicación mensual, por lo que nuestra periodicidad no se presta para publicar noticias que suelen caducar un día después. Las noticias son el campo de acción de los diarios hablados y escritos. Los semanarios son para análisis de noticias. La caducidad de las noticias se puede medir examinando el contenido de las primeras planas de los diarios de Nicaragua.

La importancia de las ciudades y pueblos es una distorsión que debemos corregir. Poblados como *Tipitapa* (población urbana en 2005: 85,948 hab.) *Jinotega* (41,134 hab.), *Bilwi* (39,429 hab.), *El Viejo* (39,178 hab.), *Bluefields* (38,623 hab.), *Diriamba* (35,222 hab.) *Chichigalpa* (34,243 hab.), *Jinotepe* (31,257 hab.), *Nueva Guinea* (25,585 hab.), *Jalapa* (24,435), *Nagarote*

(19,614 hab.), muchos creemos que esas poblaciones no tienen mayor importancia; corrección geográfica e histórica que debemos hacer.

Revista de Temas Nicaragüenses abre sus puertas a temas de actualidad, que se refiere a los acontecimientos que ocupan la atención no política de la gente en un periodo de tiempo que persista por más de cuatro semanas como son la sequía, los diferendos limítrofes con Colombia y Costa Rica, el proyecto del canal interoceánico. ■

El Poblamiento de Sudamérica

George Dvorsky

Reproducido de GIZMODO [Something Completely Unexpected Happened to the First Settlers of South America](#) y traducido al español por Google Translate.

A medida que la última Edad de Hielo estaba llegando a su fin, y cuando los primeros pobladores llegaron a América del Norte, surgieron dos poblaciones distintas. Uno de estos grupos finalmente llegaría a establecerse en América del Sur, pero como lo demuestran las nuevas pruebas genéticas, estos dos grupos ancestrales -después de haber estado separados durante miles de años- tuvieron una reunión inesperada. El hallazgo está cambiando nuestras concepciones de cómo el continente del sur fue colonizado y por quién.

Los científicos que estudian el establecimiento de América del Norte y del Sur rara vez están de acuerdo, y existen teorías que compiten sobre quiénes fueron los primeros migrantes, cómo llegaron y cuándo. La investigación de 2015 sugiere que una sola ola de colonos llegó a América del Norte desde Eurasia, después de lo cual se separaron en dos ramas ancestrales, una rama del norte y una rama del sur. No está del todo claro dónde o exactamente cuándo sucedió esto, pero la evidencia genética sugiere que el divorcio ocurrió entre 18,000 y 15,000 años atrás. Eso pasó unos miles de años antes de que apareciera un corredor interior sin hielo entre las capas de hielo Cordillerana y Laurentida, lo que hace que Norteamérica sea accesible para los colonos. Así que esta división ancestral ocurrió en Beringia o en un grupo de colonos que llegaron a América del Norte después de haber recorrido una ruta costera, una posibilidad completamente distinta, dada la nueva evidencia publicada a principios de esta semana.

Un artículo de investigación publicado hoy en *Science* sugiere que el último escenario es la interpretación correcta, y que los grupos ancestrales del norte y del sur se volvieron a cruzar e interconectar miles de años después de separarse, un evento que según los autores podría haber ocurrido solo en América del Norte, al sur del país, después del retroceso de las capas de hielo. Además, los autores del nuevo estudio dicen que esta mezcla de poblaciones ancestrales ocurrió antes de que los humanos se aventuraran en Sudamérica, o cuando el continente sureño recibía sus primeros visitantes humanos. En total, los investigadores presentaron cuatro posibilidades diferentes, como se ilustra en el siguiente diagrama.

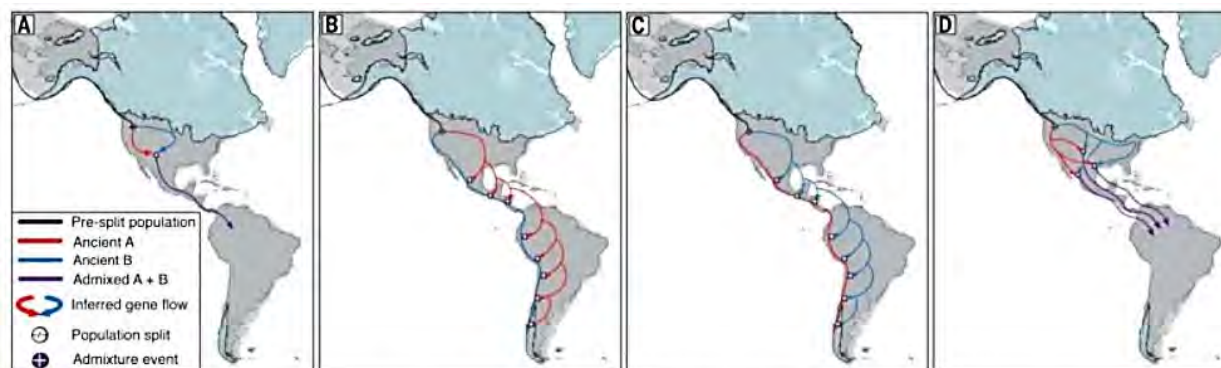


Fig. 3. Dispersal models that are consistent with the results of this study. Red and blue indicate ANC-A and ANC-B, respectively; symbols denote admixture event(s). Locations of admixture events are hypothetical. **(A)** A model with one admixture event in North America. **(B)** A model in which an ANC-B population first reached South America, followed by an ANC-A population with multiple admixture events. **(C)** The same model as (B), but reversing the populations. **(D)** A model with multiple admixture events and dispersals.

Imagen: C. L. Scheib y otros, 2018 / Science

Como se señaló, se produjo una división ancestral entre los primeros migrantes de América del Norte, y permanecieron separados el uno del otro el tiempo suficiente para que surgieran dos linajes genéticos distintos. Una interpretación popular es que la rama norte se extendió hacia el este hacia la región de los Grandes Lagos, posiblemente siguiendo los bordes glaciales en retirada, y que finalmente dio origen a muchas comunidades nativas que viven hoy en el este. Mientras tanto, la rama sur viajó hacia el sur a lo largo de la costa del Pacífico, habitando islas en el camino, y finalmente llegando al continente sur donde dieron origen a todas las poblaciones indígenas de América Central y del Sur.

La nueva investigación, dirigida por Christiana Scheib de la Universidad de Cambridge, sugiere que no fue tan clara como ésta. Estas dos poblaciones, muestra el estudio, se reunieron antes o durante el poblamiento de América Central y del Sur. Como resultado, la mayoría, si no todas, de las poblaciones indígenas de América del Sur todavía contienen rastros de ADN de la rama norte. Se llegó a esta conclusión después de analizar 91 genomas antiguos de pueblos indígenas que vivían en California y en el suroeste de Ontario. El análisis de ADN también muestra que las personas de Clovis, llamadas así por sus herramientas de piedra distintivas, estaban estrechamente relacionadas con la rama sur.

La mezcla, o mezclas, del ADN de la rama norte y sur ocurrió en América del Norte antes de que la rama del sur llegara a Sudamérica, o sucedió a lo largo de la ruta de migración a América del Sur, al menos unos miles de años después de la división ancestral inicial. La evidencia genética en el nuevo estudio muestra

que las poblaciones indígenas actuales que viven tanto en América Central como en América del Sur han retenido entre el 42 y el 71 por ciento del genoma de la rama norte, lo cual es significativo. Muy inesperadamente, los investigadores encontraron la mayor proporción de ADN de la rama norte entre las poblaciones indígenas que viven en el sur de Chile. Esta área es el hogar del sitio arqueológico de Monte Verde, que con 14,500 años de antigüedad es uno de los asentamientos más antiguos conocidos en las Américas.

"Podría ser evidencia de una población de vanguardia de la rama norte en el extremo sur del continente que quedó aislada durante mucho tiempo, preservando una continuidad genética", dijo Scheib en un comunicado. "Antes de hace 13,000 años, la expansión en la punta de Sudamérica habría sido difícil debido a las enormes capas de hielo que bloqueaban el camino. Sin embargo, el área en Chile donde se encuentra el sitio de Monte Verde no estaba cubierta de hielo en este momento".

Scheib y sus colegas dicen que esta nueva evidencia es un duro golpe para la teoría de que las dos ramas ancestrales se separaron cuando todavía estaban en Beringia, y que múltiples oleadas de poblaciones genéticamente distintas se aventuraron hacia América del Norte. ●